

令和2年9月14日

免疫調節薬サリドマイドの標的タンパク質への作用が体内代謝で変化する メカニズムを解明 –副作用の少ない創薬への展開に期待–

1. 発表者：

降旗 大岳（東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命化学専攻 博士後期課程2年生）
山中 聡士（愛媛大学 プロテオサイエンスセンター 特定研究員）
本田 敏章（名古屋工業大学大学院工学研究科 生命・応用化学専攻 博士前期課程2年生）
宮内 裕美子（東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命化学専攻 特任研究員）
浅野 敦子（東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命化学専攻 特任研究員：研究当時）
柴田 哲男（名古屋工業大学大学院工学研究科 共同ナノメディシン科学専攻 教授）
田之倉 優（東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命化学専攻 特任教授）
澤崎 達也（愛媛大学 プロテオサイエンスセンター 教授）
宮川 拓也（東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命化学専攻 特任准教授）

2. 発表のポイント：

- ◆ 免疫調節薬として多発性骨髄腫などの治療に利用されているサリドマイドは、体内での代謝を経て催奇形性（有害な副作用）を引き起こします。
- ◆ サリドマイドの水酸化代謝物が催奇形性の原因となる SALL4 タンパク質に作用する仕組みを明らかにしました。
- ◆ 本研究の成果は、サリドマイドの薬理作用の理解を深めるもので、副作用の少ない薬剤開発への応用が期待できます。

3. 発表概要：

サリドマイドとその誘導体は、免疫調節薬として多発性骨髄腫などの治療に有効ですが、催奇形性などの避けられない副作用のために厳しい規制のもとで使用されています。これら薬剤の副作用を減らして薬効を高めるには、それらが私たちの体内で作用する仕組みを理解することが不可欠です。

東京大学大学院農学生命科学研究科の宮川拓也特任准教授と田之倉優特任教授、愛媛大学プロテオサイエンスセンターの澤崎達也教授を中心とした研究グループは、サリドマイドと体内でつくられる水酸化代謝物が催奇形性の原因となる SALL4 タンパク質に作用する仕組みを明らかにしました。サリドマイドは SALL4 タンパク質への作用に加え、免疫調節に関わる IKZF1 タンパク質にも作用しますが、その水酸化代謝物では IKZF1 への作用が大きく低下していました。これは SALL4 と IKZF1 の構造の違いに起因しており、サリドマイドの標的タンパク質へ

の作用が体内代謝を経て変化する仕組みを初めて説明することができました。これは、水酸化代謝物の生成と作用の仕組みに基づいて、有害な副作用を低減し望ましい薬効を高める創薬につながる成果です。

4. 発表内容：

サリドマイドは、1950年代に睡眠導入剤として使用された薬剤ですが、服用した妊婦から生まれた胎児に重度な催奇形性（注1）を示し、大きな薬害問題を引き起こしました。その後、サリドマイドに免疫調節作用などの有用な薬理活性が認められ、サリドマイドとその誘導体（レナリドミド及びポマリドミド）は厳格な安全管理のもと、現在最も有効な免疫調節薬（immunomodulatory imide drugs, IMiDs）として多発性骨髄腫などの治療に使用されています。これまでに、サリドマイドが作用する複数の標的タンパク質が探索され、サリドマイドの薬理作用の分子メカニズムが少しずつ解き明かされてきました。C2H2 ZF 型転写因子（注2）の IKZF1 と SALL4 はサリドマイドの免疫調節作用と催奇形性にそれぞれ関与しています。これらの転写因子は、ZF2 ドメイン（注3）と呼ばれる領域で CRBN タンパク質（注4）に結合すると、分解されて細胞から取り除かれます。そしてこの現象はサリドマイドによって引き起こされます（図1）。一方、体内のシトクロム P450（注5）という酵素のはたらきにより、投与されたサリドマイドは水酸化された代謝物（5-hydroxythalidomide, 5HT）を生じます。最近、この 5HT がサリドマイドよりも効率的に SALL4 の分解のみを引き起こすことが発見され（図1）、SALL4 の分解に起因するサリドマイドの催奇形性のメカニズムにおいて、5HT の作用が重要視されていました。

今回研究グループは、C2H2 ZF 型転写因子に対するサリドマイドの作用が体内での代謝によって変化する、SALL4 の分解が選択的に促進される仕組みを明らかにすることに成功しました。まず本研究では、サリドマイドまたは 5HT の存在下で SALL4 と CRBN の複合体を形成させ、それらの構造を X 線結晶構造解析法（注6）により決定しました。その結果、どちらの化合物も CRBN に SALL4 の ZF2 ドメインをつなぎとめる役割を果たしていることが明らかになりました（図2）。また、5HT はその水酸基で CRBN と強く結合しており、これが SALL4 の分解を 5HT が促進する主要因であることがわかりました。次に 5HT が IKZF1 に作用できない理由を検討したところ、ZF2 ドメインを構成する β ヘアピン上の 2 番目と 9 番目のアミノ酸残基（P2 及び P9）が 5HT の水酸基の近くに位置していることがわかり、これらの種類が SALL4 と IKZF1 で異なることが見出されました（図2）。実際に SALL4 と IKZF1 の間でアミノ酸残基を入れ替えると 5HT は SALL4 ではなく IKZF1 に作用できるようになり、特に P2 が C2H2 ZF 型転写因子に対する 5HT の選択性の鍵となる構造であることが明らかになりました。

以上の研究成果により、サリドマイドの標的タンパク質に対する作用が体内代謝を経て変化する仕組みを初めて説明することができました。また本研究で見出したサリドマイドの水酸化を回避できれば、SALL4 の分解に起因する催奇形性を低減可能な新たな薬剤設計が期待できます。さらに本研究の知見は、サリドマイドを含む IMiDs の薬効に必要な標的タンパク質への作

用効率を高めるために、C2H2 ZF 型転写因子に見られる構造の違いを利用できる可能性を示しています。

本研究は、東京大学大学院農学生命科学研究科、愛媛大学プロテオサイエンスセンター、名古屋工業大学大学院工学研究科との共同研究としておこなわれました。また、日本医療研究開発機構 (AMED) 創薬等ライフサイエンス研究支援基盤事業 創薬等先端技術支援基盤プラットフォーム (BINDS) 「コムギ無細胞系による構造解析に適した複合体タンパク質生産・調製技術と低分子抗体作製技術の創出」(課題番号 JP20am0101077)、 「創薬等ライフサイエンス研究のための相関構造解析プラットフォームによる支援と高度化 (PF におけるタンパク質立体構造解析の支援と高度化、相関構造解析への展開)」(課題番号 JP19am0101071、支援番号 2290)、日本学術振興会 (JSPS) 「科学研究費助成事業」(課題番号 JP16H06579、JP17J08477、JP17H06112、JP19H03218)、武田科学振興財団の支援を受けておこなわれました。

5. 発表雑誌：

雑誌名：「*Nature Communications*」(2020年9月14日付)

論文タイトル：Structural bases of IMiD selectivity that emerges by 5-hydroxythalidomide
(サリドマイドの水酸化により発現する IMiD 選択性の構造基盤)

著者：Hirotake Furihata, Satoshi Yamanaka, Toshiaki Honda, Yumiko Miyauchi, Atsuko Asano,
Norio Shibata, Masaru Tanokura, Tatsuya Sawasaki, Takuya Miyakawa

DOI 番号：10.1038/s41467-020-18488-4

6. 注意事項：

日本時間 9 月 10 日 (木) 午後 6 時 (英国夏時間：10 日 (木) 午前 10 時) 以前の公表は禁じられています。

7. 問い合わせ先：

<研究内容について>

東京大学大学院農学生命科学研究科 応用生命化学専攻

養生訓を科学する医食農連携寄付講座

特任准教授 宮川 拓也 (みやかわ たくや)

Tel : 03-5841-2279 Fax : 03-5841-2283

E-mail : atmiya@mail.ecc.u-tokyo.ac.jp

愛媛大学プロテオサイエンスセンター

無細胞生命科学部門

教授 澤崎 達也 (さわさき たつや)

Tel : 089-927-8530 Fax : 089-927-8528

E-mail : sawasaki@ehime-u.ac.jp

名古屋工業大学大学院工学研究科 共同ナノメディシン科学専攻
教授 柴田 哲男 (しばた のりお)

Tel : 052-735-7543

E-mail : nozshiba@nitech.ac.jp

<広報担当>

東京大学大学院農学生命科学研究科・農学部
農学系事務部 総務課総務チーム

総務・広報情報担当 (広報情報担当)

Tel : 03-5841-8179 Fax : 03-5841-5028

E-mail : koho.a@gs.mail.u-tokyo.ac.jp

愛媛大学研究支援部 研究支援課

研究拠点第三チーム

Tel : 089-927-8284 Fax : 089-927-8528

E-mail : saiboss@stu.ehime-u.ac.jp

名古屋工業大学 企画広報課

Tel : 052-735-5647

E-mail : pr@adm.nitech.ac.jp

<AMED 事業について>

日本医療研究開発機構 (AMED) 創薬事業部 医薬品研究開発課
創薬等ライフサイエンス研究支援基盤事業 (BINDS)

Tel : 03-6870-2219 Fax : 03-6870-2244

E-mail : 20-ddlsg-16@amed.go.jp

8. 用語解説:

注1. 催奇形性

薬剤などのある種の物質が生物の正常な発生を阻害して奇形を生じさせる性質や作用のことです。

注2. C2H2 ZF (Cys₂-His₂ zinc finger) 型転写因子

C2H2 ZF は2つのシステイン残基 (Cys, C) と2つのヒスチジン残基 (His, H) の配列モチーフをもつタンパク質またはドメインです。この配列モチーフで亜鉛イオン (Zn²⁺) を結合し、

2本の β ストランドと1本の α ヘリックスが折り畳まれた構造を形成します。C2H2 ZFの中にはDNA結合ドメインとして機能するものがあり、ここではC2H2 ZFをドメインとしてもつ転写因子をC2H2 ZF型転写因子と総称しています。

注3. ZF2ドメイン

IKZF1とSALL4は分子内に複数のC2H2 ZFをドメインとしてもち、このうち配列上で2番目に位置するC2H2 ZFをZF2ドメインと呼びます。

注4. CRBNタンパク質

CRBNは生体内におけるサリドマイドの受容体タンパク質で、サリドマイドを介して結合した標的タンパク質にユビキチンを標識するE3ユビキチンリガーゼの構成因子として機能します。

注5. シトクロムP450

多様な酸化反応を触媒する一群の酵素で、薬物などの生体外物質の代謝においては脂溶性物質の水溶性を高める第I相反応で機能します。

注6. X線結晶構造解析法

低分子化合物やタンパク質、それらが複数結合した複合体に適した溶液組成や温度などの条件下で徐々に析出させていくと、分子が規則正しく並んだ結晶を形成します。X線結晶構造解析法は、この結晶にX線を照射して得られるX線回折像を解析することで、分子の三次元構造を決定する方法です。本研究では、高エネルギー加速器研究機構(KEK)フォトンファクトリー(PF)のタンパク質結晶学ビームラインを利用して高分解能のX線回折像を収集しました。

9. 添付資料：

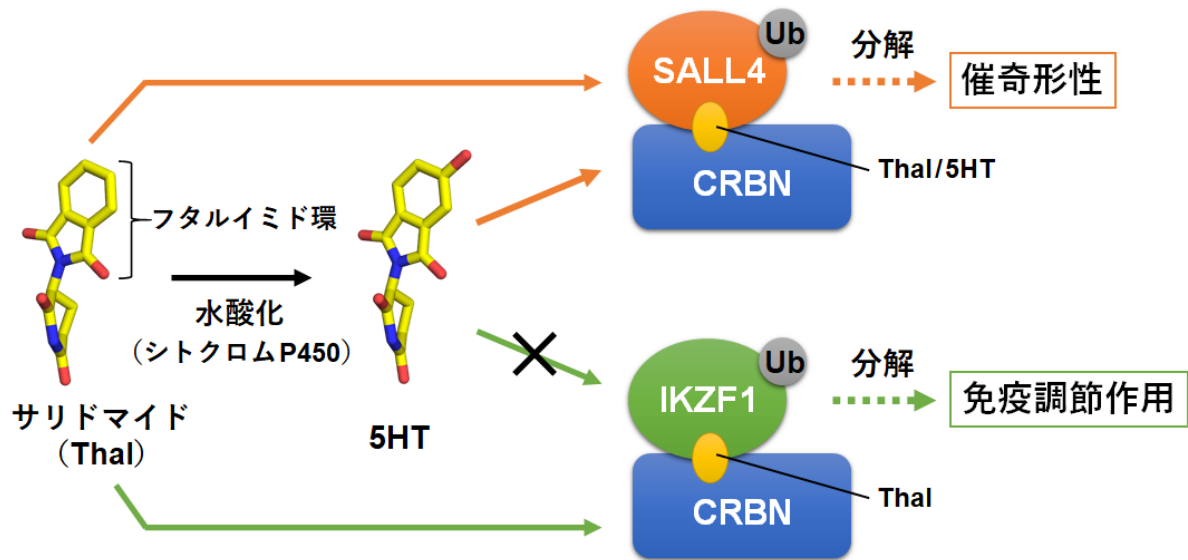


図1 サリドマイドの水酸化による C2H2 ZF 型転写因子への作用の変化

サリドマイド (黄色の楕円) の作用で CRBN に結合した SALL4 と IKZF1 は、ユビキチン (Ub) で標識されてプロテアソーム (Ub を目印にタンパク質を分解する装置) により分解されます。一方、体内代謝で水酸化されたサリドマイド (5HT) は、SALL4 のみに作用することで SALL4 の分解を選択的に促進します。

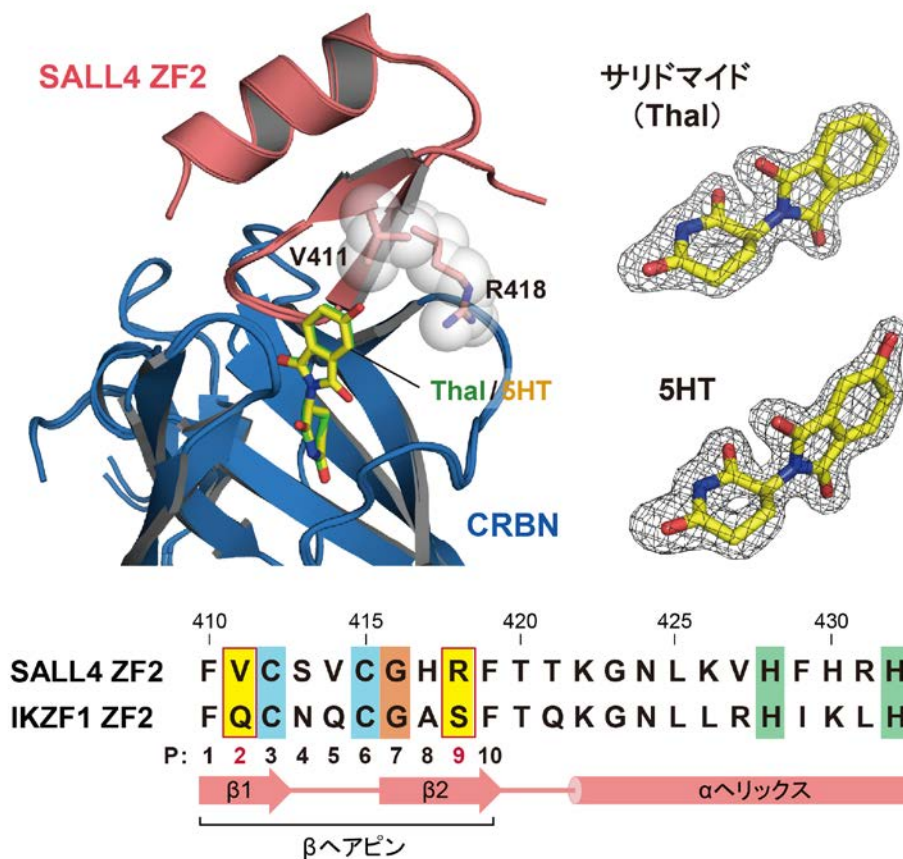


図2 C2H2 ZF型転写因子に対する5HTの選択的な作用の鍵となる構造

左上図はサリドマイドと5HTの作用により形成されたSALL4のZF2ドメイン(SALL4 ZF2)とCRBNの複合体構造を重ね合わせたものです。サリドマイドと5HTは同じ位置と配向でSALL4 ZF2とCRBNの両方に接触することで複合体を安定にしています。右上図のサリドマイドと5HTの構造を取り囲む網は、本研究のX線結晶構造解析法で観測された電子密度で、複合体構造中の化合物の位置と配向が正確に決定できていることを示しています。5HTの水酸基に隣接するSALL4 ZF2の2つのアミノ酸残基はバリン(V411)とアルギニン(R418)でβヘアピン上のP2(β1上)及びP9(β2上)のアミノ酸残基にそれぞれ対応します。一方、IKZF1はそのZF2ドメイン(IKZ1 ZF2)のP2とP9にグルタミン(Q)とセリン(S)をもちます。